

# お客様向け

2023年10月のプロモーション

# Nevogene



# 世界最大規模のゲノム解析プロバイダー

## 【概要】

2011年3月15日 北京で設立2021年4月13日 上海市場上場従業員数 2318名(2023年)

【事業内容】 NGSの受託解析サービス専業



# 「ゲノム解析専業プロバイダー」 として、世界最大の売り上げ規模!



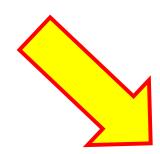


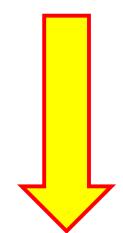
最新機種の NovaSeq X Plus



最新機種の Revio











Nevogene Jije

最先端NGSを 次々に導入





## イルミナの新機種をいち早く導入し、 商用プロバイダーとして世界で初め てバリデーションデータを公表しま した!



# illumına<sup>®</sup>

## ノボジーンのNovaSeq X Plusデータ一覧!最大465Gb/レーン、平均Q30 >95%に到達

NovaSeq X Plusは、イルミナの最新ハイスル ブットシ ケンスシステムで、スル ブット、シ ケンス能力、サステナビリティの面において卓越した性能を発揮します。従来のシ ケンサ と比較して最大2.5倍のスル ブットで、年間20,000以上のヒト全ゲノムデータを生成でき、大規模なシ ケンスプロジェクトや 挑戦的なゲノミクス研究に最適な選択肢を提供します。PhiXライブラリおよびヒト全ゲノムシ ケンスでの評価が完了しました。結果を現在公開いたします。最先端ソリュ ションの驚くべき能力をご覧ください。

#### 1. PhiXライブラリを用いた評価テストのQC概要

平均データ出力とQ30は、それぞれ443Gb/レーン、95%以上です。あるレーンでは、465Gbに達しました。

#### 表1. 各レーンのリド1のOC結果

Lane No.	PF (%)	Reads PF (M)	Q30 (%)	Yield (GB)	Error Rate (%)
1	$75.26 \pm 8.35$	1,468.08	95.17	217.05	$0.51 \pm 0.4$
2	$78.59 \pm 3.17$	1,533.02	95.49	227.59	$0.33 \pm 0.3$
3	76.73 ± 4.69	1,496.74	95.25	221.74	$0.55 \pm 0.57$
4	$75.88 \pm 11.66$	1,480.03	95.67	218.62	$0.51 \pm 0.58$
5	$77.85 \pm 12.49$	1,518.43	96.17	223.85	0.45 ± 0.35
6	80.67 ± 4.64	1,573.52	96.31	232.69	$0.38 \pm 0.28$
7	75.64 $\pm$ 13.11	1,475.48	95.71	218.13	$0.44 \pm 0.33$
8	$73.38 \pm 12.55$	1,431.29	95.66	211.12	$0.43 \pm 0.3$

#### 表2. 各レーンのリド2のOC結果

Lane No.	PF (%)	Reads PF (M)	Q30 (%)	Yield (GB)	Error Rate (%)
1	75.26 ± 8.35	1,468.08	94.95	217.13	0.42 ± 0.38
2	$78.59 \pm 3.17$	1,533.02	95.1	227.22	$0.38 \pm 0.31$
3	76.73 ± 4.69	1,496.74	95.21	221.8	0.47 ± 0.35
4	$75.88 \pm 11.66$	1,480.03	95.44	218.53	$0.46 \pm 0.41$
5	$77.85 \pm 12.49$	1,518.43	95.57	223.84	0.53 ± 0.38
6	80.67 ± 4.64	1,573.52	95.68	232.51	$0.45 \pm 0.4$
7	$75.64 \pm 13.11$	1,475.48	95.33	218.17	0.48 ± 0.42
8	73.38 ± 12.55	1,431.29	95.07	210.96	$0.51 \pm 0.4$

## PacBioの新機種をいち早く導入し、 商用プロバイダーとして世界で初め てバリデーションデータを公表しま した!



# **PacBi**

## ノボジーンによるRevioデータ: SMRTセルあたり最大110Gb HiFiリードを達成!

このたびノボジーンは、PacBio社の最新ハイスループットシーケンスシステムRevioを導入いたしました。Revioは、優れたベースクオリティとともに、スループットの面で卓越した性能を発揮します。この最先端技術は、1日あたり360GbのHiFiリードという歴史を通じて最も高いハイスループットを達成し、従来のSequel IIシステムと比較して15倍の大幅な増加を実現しています。ノボジーンは、植物、動物、ヒトのDNA HiFiライブラリを用いて検証を行いました。その結果、本システムは、PacBio社が発表したSMRTセルあたりの標準データ出力90Gbを上回る、最大110.5Gbの出力が可能であることを示しています。Revioシステムの機能強化により、ノボジーンはHiFiロングリードシーケンスとダイレクトメチル化検出のハイスループット化を実現し、幅広いアプリケーションに対応できるようになりました。

#### 1.RevioシステムのSMRTセルあたりのHiFi収率

SMRTセルあたりの平均データ出力は98.4Gbで、QC値は31.2です。加えて、このプラットフォームは、SMRTセルあたり110.5Gbの最大データ出力を実証しています。

#### 表1. RevioシーケンスデータのOC結果

Sample	HiFi Yield (Gb)	Read Length(mean) (bp)	Read Length(N50) (bp)	Mean Quality Value
Human Sample 1	110.5	21,313	21,967	31.3
Animal Sample 1	98.3	16,305	16,486	31.1
Plant Sample 1	86.4	19,659	19,953	31.1

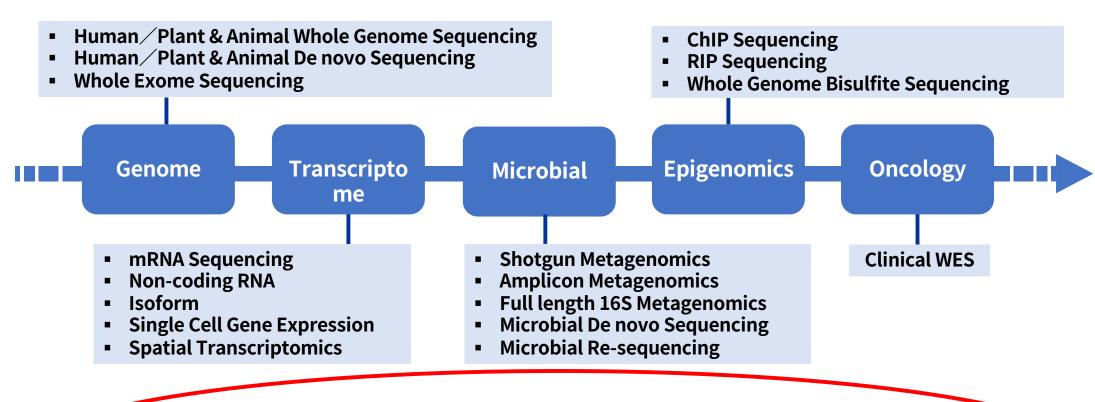
#### 2.マルチプレックスライブラリの評価結果

動物3検体、植物3検体からなるDNAマルチライブラリを、それぞれRevioシステムでシーケンスしました。その結果、各動物サンプルからは30Gb以上の HiFiリードが得られ、配列データのデマルチプレックス率は99%以上のレベルに達しています。

#### 表2. マルチプレックスSMRTセルライブラリのQC結果

Sample	Total HiFi Yield (Gb)	Data Demultiplexing Rate (%)	Single-sample HiFi Yield (Gb)	Read Length(mean) (bp)	Read Length(N50) (bp)
Animal 1			32.0	20,634	20,558
Animal 2	102.3	99.56	34.2	19,523	19,464
Animal 3			35.7	19,074	18,988
Plant 1			30.0	17,157	17,002
Plant 2	84.6	99.76	23.1	16,634	16,614
Plant 3			31.2	16,513	16,320

## フルラインナップで、あらゆるサービスとソリューションを提供します















## ノボジーンの強み②~全自動実験プラットフォームFalconシステム



- ・1日に2850サンプルを処理するインテリジェントシステム:完全に自動化された実験プラットフォーム
- ・サンプルの収集からデータ解析、リリースまで非常に高速な納期での解析を提供



ハンズオンエラーを回避 NGS操作におけるクロスコンタミネーションを排除



## ノボジーンの強み③:利便性の高い-東京配送センター(TSC)



2020年8月から海外配送の中継基地:東京配送センター(TSC)を整備 2022年9月から拠点を東京駅の近く(日本橋茅場町)に移転

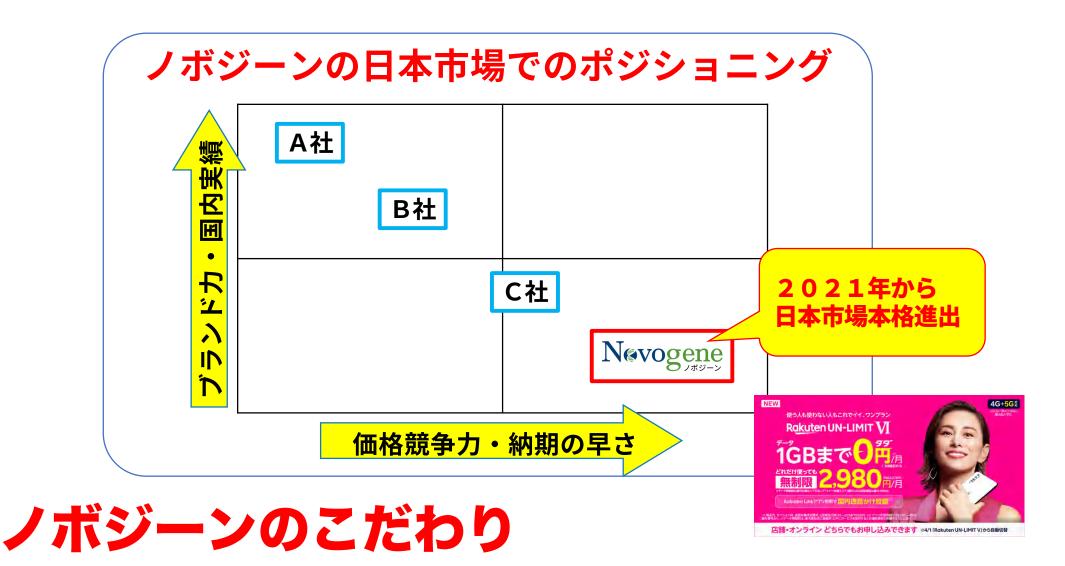




住所:〒103-0025 東京都中央区日本橋茅場町2-7-10茅場町第3長岡ビル7階

柔軟で効率的なサンプル収集が可能になりました

# 主要なNGSプロバイダーとして日本市場最後発



- ▶ 「NGS業界で一番安い!」に対する強いこだわり
- ▶ 「品質」や「納期の早さ」でも今後は差別化を打ち出していきます

Nevogene

ノボジーン株式会社 2023年 Q4のキャンペーン



# Q4キャンペーン共通の条件

- ▶ 12月8日サンプル到着分まで
- > 1度のご注文が7万円(税別)以上

# 秋から始まる3つのキャンペーン

**NovaSeq X Plus** 

※これは1ライブラリー1サンブルか体験です。1ライブラリーで複数サンブルを繋折される場合は、1サンブル表面する面に3)404円(総名)が地質されませ

# のりかえ割 <sup>半額キャンペーン</sup>



# シングルセル発現解析ショート&ロングリード



# NGSサービス市場初(たぶん)「のりかえ割」!

## 初めてのお客様で初回のみ限定



条件:12月8日サンプル到着分、税別合計7万円のご注文から

他社NGSプロバイダーからの「のりかこ」で、

# 他社のご利用価格の 半 名頂をオファーします!

#### ⑤「のりかえ割」の条件

- 対象アプリケーションはRNA-Seqもしくはライブラリーシーケンスです。その他のアプリケーションをご希望の場合もご相談ください。
- ▶ のりかえ元対象の他社NGSプロバイダーは、NovaSeq 6000/X Plusを自社保有(海外グループ企業含む)しているNGS 受託サービスプロバイダーに限ります
- ▶ 過去の他社NGSプロバイダーご利用時の納品を示す文書と価格のわかる文書のスキャン画像をご提出ください ノボジーンに初めてご注文を頂くお客様(研究室単位)の初回ご注文に限ります

※「半額」のディスカウント額(弊社キャンペーン標準価格からの差額分)には約50万円程度の上限があります。この上限額は、例えば他社のRNA-Seqを過去に単価3万円で購入されていた場合、「のりかえキャンペーン」では単価1万5千円で68サンプルまでをオファー可能です。

### 【のりかえ割の例】

過去の他社お取引 単価**3**万円 RNA-Seq **20**サンプル





のりかえ割オファー 単価**1**万**5**千円 RNA-Seg

30サンプル「サンプル数は変更可能」

他社の過去利用額に半額対抗! 例えば競合M社さんでRNA-Seq 4万円だったら2万円オファー

他のアプリケーションも相談可

対象はNovaSeqを自社保有する競合 国内大手のT社さん、外資系のM社さん など。詳しくは弊社営業にお聞き下さい。 (NovaSeqを保有しないサービス企業さんは「のりかえ割」対象外です)

適当な文書が見つからない場合はご相談 ください。 (なんとか対応致します)

# ライブラリーシーケンス

最新機種のNovaSeq X Plus いよいよサービス開始!







「NovaSeq X Plusのギガ売り」 ついに登場!



条件:12月8日サンプル到着分、税別合計7万円のご注文から

②プリメイドライブラリ ギガ読みシーケンスキャンペーン

サービス名	備考	通常価格(税別)	キャンペーン価格(税別)
Novaseq X Plus レーン解析	データ量:350-375Gb	371,500円	<b>299,800</b> 円
NovaSeq X Plusギガ売り	1-29Gbの間で1Gb単位の 相乗りシーケンス	1,600円	<b>1,100</b> 円
NovaSeq X Plusギガ売り	30G以上Gbの間で1Gb単位の 相乗りシーケンス	1,400円	<b>1,000</b> 円
NovaSeq 6000 レーン解析	データ量800Gb	1,045,400円	<b>823,600</b> 円
その他の雑費: 上記の他に、解析バッチ毎の	海外発送費用6,200円(税別)、		

RNA-seq キャンペーン

サービス名	備考		战别)	キャンペーン価格(税別)
真核生物RNA-Seq 6Gb(20M reads)	ストランド特異性解析 (イルミナ6000プラップ		0,800円	<b>23,100</b> 円
真核生物RNA-Seq 6Gb(20M reads)	ストランドサ (DNBSS	/	24,700円	<b>18,500</b> 円
真核生物RNA-Seq 6Gb(20M reads)			27,100円	<b>19,800</b> 円
直拉牛物DNA Sog CCb/202			21 €90⊞	15,900円

NovaSeq X Plusのギガ売り新登場! 時代はついに 1 ギガ = 1 0 0 0 円

PacBio HiFi library prep/sample
PacBio Revio Sequencing/Cell

15K HiFi ライブラリー 参考データ量90G/Cell 130,700円

1Cell価格 498,200円\*

マンペーン価格(税別)

**4,200**円 **1,200**円

その他の雑費: 上記の他に、解析バッチ毎の海外発送費用6,200円(税別)、

20雑貨: 上記の他に、解析バッチ毎の海外発送貨用6,200円(税別)、 データ返却費用(クラウド100GB毎3,600円 あるいは 1T HDD 12,000円等、税別)が生じま

※これは1ライブラリー1サンブルの価格です。1ライブラリーで複数サンブルを解析される場合は、1サンブル追加する度に82,400円(税別)が加算されます。

# Revioロングリード

PacBioのゲームチェンジャー 最新機種のRevio受託スタート



**PacBi** 





条件:12月8日サンプル到着分、税別合計7万円のご注文から

♠プリメイドライブラリ ギガ読みシーケンスキャンペーン

サービス名	備考	通常価格(税別)	キャンペーン価格(税別)
Novaseq X Plus レーン解析	データ量:350-375Gb	371,500円	<b>299,800</b> 円
NovaSeq X Plusギガ売り	1-29Gbの間で1Gb単位の 相乗りシーケンス	1,600円	<b>1,100</b> 円
NovaSeq X Plusギガ売り	30G以上Gbの間で1Gb単位の 相乗りシーケンス	1,400円	<b>1,000</b> 円
NovaSeq 6000 レーン解析	データ量800Gb	1,045,400円	<b>823,600</b> 円
その他の雑費: 上記の他に、解析バッチ毎の データ返却費用(クラウド100	毎外発送費用6,200円 (税別) 、 GB毎3,600円 あるいは 1T HDD 12,000円等、私	党別)が生じます。	
真核生物RN. 真核生物RN. 真核生物RN.	Cellシ- 4,200		悦別)
真核生物RN <b>49</b>	4,200  #ストランド特異性解析 (DNBSEQ-TTブラットフォーム)		<b>党别)</b>
真核生物RN. 真核生物RN. 真核生物RN.	4,200  #ストランド特異性解析 (DNBSEQ-1779-07-7-1/) まさかな発現解析に対しています。		
真核生物RNA 真核生物RNA 真核生物RNA-Seq 6Gb(20M reads)	4,200  #ストランド特異性解析 (DNBSEQ-TTブラットフォーム) 基本的な発現解析パッケージ	円 (排	15,900円

#### 

サービス名	備考	通常価格(税別)	キャン	ン価格(税別)
PacBio HiFi library prep/sample	15K HiFi ライブラリー	130,700円	1Cell価格	400 200
PacBio Revio Sequencing/Cell	参考データ量90G/Cell	560,000円	ライブラリー込み	<b>498,200</b> 円*
その他の雑費: 上記の他に、解析バッチ毎の海外発送費用6,200円(税別)、 データ返却専用(クラウド100GB報3,600円)あるいは IT HDD 12,000円等、税別)が生じます。				
これは1ライブラリー1サンプルの価格です。1	ライブラリーで複数サンプルを解析される	る場合は、1サンプル追加する度に82	2,400円 (税別) が加	算されます。

# 「RNA-Seq」といえば、 激安のノボジーン

# 二つの選択肢

# 【プラットフォームの選択】

- ▶ イルミナ (業界標準)
- ➤ DNB-Seq (リーズナブル)

## 【転写方向解析の有無】

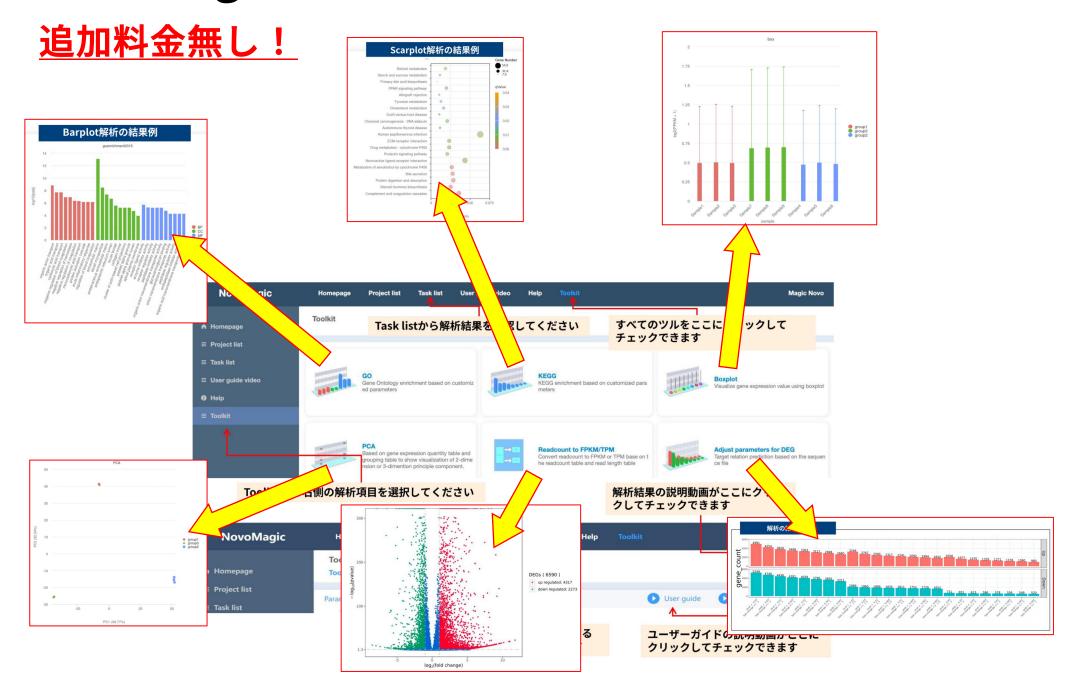
- ▶ ストランド特異性
- ▶ 非ストランド特異性

Nevogene **2023 感謝祭** 「NovaSeg X Plusのギガ売り」 ついに登場! 条件:12月8日サンプル到着分、税別合計7万円のご注文から プリメイドライブラ Directionalでも サービス名 /価格(税別) Novaseg X Plus レーン 9,800円 DNBなら2万円切 NovaSeq X Plusギガ売 1,100円 NovaSeg X Plusギガ売り 1,000円 NovaSeq 6000 レーン解析 データ量800Gh 823,600円 1,045, その他の雑費: 上記の他に、解析バッチ毎の海外発送費用6,200円(税別) データ返却費用(クラウド100GB毎3,600円 あるいは 1T HDD 12,000円等、税別)が生じます。 ♠ RNA-seq キャンペーン サービス名 備考 通常価格(税別) ーン価格(税別) ストランド特異性解析 23,100円 真核生物RNA-Seq 6Gb(20M reads) 30,800円 ストランド特異性解析 真核生物RNA-Seq 6Gb(20M reads) 18,500円 24,700円 (DNBSEQ-T7プラットフォーム) 非ストランド特異性解析 真核生物RNA-Seg 6Gb(20M reads) 19,800円 27,100円 (イルミナ6000プラットフォーム) 非ストランド特異性解析 真核生物RNA-Seq 6Gb(20M reads) 15,900円 21,680円 RNA-Seq 定量解析(バイオインフォマティクス) 6,600円 4,200円 Illumina NovaSeg 6000 追加シーケンス(1Gb単位) 1,200円 1,500円 ②ロングリードシーケンスキャンペーン キャンペーン価格(税別) サービス名 PacBio HiFi lib non-Directionalなら 498,200m\* PacBio Revio S イルミナも2万円切り ※これは1ライブラリ

データ解析も激安

無料のNovoMagicにも対応

# NovoMagicによる無料! の追加データ解析



## 無料で使えるNovoMagic

# Volcano Plotの例

#### Readount to FPKM/TPM



- ·ファイルパス:Result>3. Quant>1. Count>gene\_count(xls)
- ·アップロードファイルの作成:上記のファイルからdemo input fileと同じ仕様のファイルを作成してください

RNA-Seq データから得られたリードカウントデータは、そのまま転写物(遺伝子)発現量を表すわけではなく、転写産物の長さ及びデプスに由来する影響を取り除く必要がある。その解決方法として、FPKMまたはTPMは用いられている。

FPKM: fragments per kilobase of exon per million reads mapped マッピングされた全リード数を100万、転写産物長を1000塩基になるように補正する

TPM: Transcripts Per Million

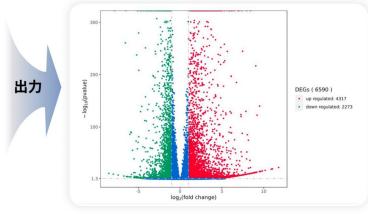
FPKMと同様ですが、補正する順番が異なり、先に長さの補正をしてから総リード数による補正を行う

Nevogene

#### Volcano Plot

- ・ファイルパス: Result>4. Differential>1. deglist>Control vs Treatment>ControlvsTreatment\_deg(xls)
- ·アップロードファイルの作成:上記のファイルからdemo input fileと同じ仕様のファイルを作成してください

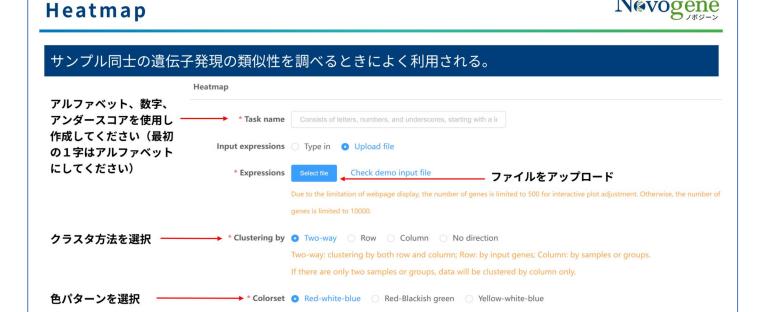
gene_id	Control	Treatment	log2FoldCl	pvalue	padj
ENSMUSG	244.2906	13.29161	4.186776	6.71E-14	1.33E-09
ENSMUSG	36.85794	478.64751	-3.6946	1.48E-13	1.46E-09
ENSMUSG	3525.307	429.26281	3.037431	1.17E-11	7.72E-08
ENSMUSG	635.9909	75.972237	3.063286	7.03E-11	3.49E-07
ENSMUSG	70.55259	558.4228	-2.98246	2.50E-10	7.99E-07
ENSMUSG	276.9323	30.386341	3.18255	2.60E-10	7.99E-07
ENSMUSG	89.50583	3.794484	4.51365	2.82E-10	7.99E-07
ENSMUSG	37.9109	297.2537	-2.96706	1.74E-09	4.31E-06
ENSMUSG	354.8512	57.927823	2.612164	3.63E-08	8.01E-05
	1500.07	000 00000	0.005000	- 4 00	0 000400



# 日本語マニュアル

## 無料で使えるNovoMagic

# ヒートマップの例

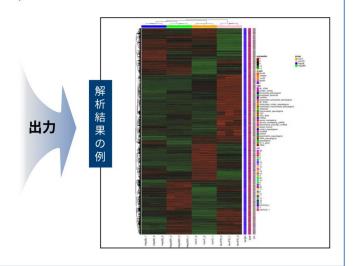


\* Normalization by ○ log2 ○ log10 ←

#### Heatmap

- ・ファイルパス: Result>4. Differential>3. culster>heatmap\_group(xls)またはheatmap(xls)
- ·アップロードファイルの作成:上記のファイルからdemo input fileと同じ仕様のファイルを作成してください

gene_id	Control	Treatment
ENSMUSG00000020061	11.68394223	15. 33662227
ENSMUSG00000056328	20. 54266579	24. 31101836
ENSMUSG00000021622	10. 55585754	7.824045335
ENSMUSG00000035385	2. 150278269	5. 340514089
ENSMUSG00000007877	43. 4839866	74. 35215867
ENSMUSG00000024471	8. 492739313	12. 97870955
ENSMUSG00000031972	402. 4031988	397. 9933168
ENSMUSG00000019139	7. 418011885	10. 25066441
ENSMUSG00000033196	5. 424276112	3. 998577795
ENSMUSG00000083411	36. 34451717	32. 55398323



# 日本語マニュアル

正規化方法を選択

Runをクリック

# シングルセル解析 (3'発現) も超安い!



条件:12月8日サンプル到着分、税別合計7万円のご注文から

## シングルセル業界の新標準!ステップ毎の明朗会計

【受託サービスフロー】

ライブラリー調製

海外発送

NGS解析(シーケンス)

データQC

シングルセル標準解析

HDDデータ返却



	サービス名	備考	キャンペーン 価格(税別)
ライブラリー調整	10xライブラリー調製 1~3サンプルの場合	分散処理細胞のシングルセル化	<b>548,000</b> 円
	10xライブラリー調製 4サンプル以上	と10x Chronium single cell 3' ライブラリー調製	<b>529,800</b> 円
٤	ONTロングリード解析	PromethION 1Cell	<b>298,000</b> 円
ーケンス	NovaSeq X Plus解析 (NovaSeq 6000も利用可能)	1Gb単価(150PE・3.3M) (1細胞毎に5万リード推奨) (NovaSeq 6000の場合は1,200円)	1,000円
データ	Cell Ranger等, QC解析	シングルセル解析QCレポート	<b>10,000</b> 円
QC·解析	シングルセル標準解析	クラスター解析、エンリッチメント 解析等の標準解析レポート	30,000円
オプション	オンサイト実験サービス (出張費用・技術料)	東京からの距離に応じた費用のご負担(東京 ・神奈川・千葉・埼玉と凍結サンブル発送の場合は無償)(レンタカーなど追加費用発生時 は別途実費請求)	北海道·九州·沖縄:88,900円 中四国:66,700円 東北·近畿:44,500円 関東·中部:22,300円
	その他の雑費:上記の他に、解	折バッチ毎の海外発送費用(税別3,000円)と1	LTb分HDDデータ返却

その他の雑費:上記の他に、解析バッチ毎の海外発送費用(税別3,000円)と1Tb分HDDデータ返却費用(税別10,000円)が生じます

解析例1:イルミナNovaSegで4,000細胞を4サンプル分シーケンスまで解析するの場合(東京)

10xライブラリー (529,800円) + イルミナ60Gb (60,000円) + オンサイト実験サービス (東京の場合は無償) + その他雑費 (13,000円) の時、サンプル単価は602,800円 (表記は税別です)。

解析例2:イルミナNovaSegで8,000細胞を1サンプル分Cell Rangerまで解析の場合(東京)

10xライブラリー (548,000円) + イルミナ120Gb (120,000円) + Cell Ranger解析 (10,000円) + オンサイト実験サービス (東京の場合は無償) + その他雑費 (13,000円) の時、サンプル単価は**691,000**円 (表記は税別です)。

シングルセル ライブラリー(10x)

シーケンスは
▶ ロングリード (ONT)▶ ショートリードどちらかを選択

## 解析例

【8000細胞ショートリード解析】

10xライブラリー: 548,000円

120Gbシーケンス: 120,000円

Cellranger: 10,000円

雑費: 13,000円

合計 691,000円

# 日本市場初! (たぶん) 「ロングリード」のシングルセル解析!

#### 条件:12月8日サンプル到着分、税別合計7万円のご注文から

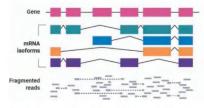
シングルセル受託解析は、 ついにロングリード時代に突入

10× GENOMICS



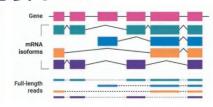


なぜロングリードが必要なのか?



#### Short read single cell RNA-Seq

- > 3' to 5' short reads
- > Gene expression information only
- ➤ Unable to analyze the differences in the isoform between cells



#### Long read single cell RNA-Seq

- ➤ Full-length long reads
- ➤ Get the full-length information of mRNA
- Analyze different mRNA isoform, alternative splicing, fusion genes, etc.

シングルセル化からロング リード・1サンプルの費用\*\*1

899,000 P

お手元の10x cDNAをつかって ロングリード解析\*\*2

298,000円

※1) データQC、標準解析、雑費等を含めたトータルコスト(オンサイトサービス除く)。

※2) シングルセル用ONTサービス単体価格。

遺伝子発現にはスプライシングバリアントがあり、mRNAは細胞や組織の役割に応じて異なるアイソフォームの姿で発現しています。これまでのショートリードシーケンスでは、mRNAの全長をシーケンスすることができず、アイソフォームは不明なまま、遺伝子の数をカウントすることしかできませんでした。

これに対してロングリードシーケンスはmRNA の全長をシーケンスすることができ、細胞や組 織によって発現が異なるmRNAのアイソフォー ムの姿を正確に解析することができます。

このことにより、遺伝子発現の異常を研究する 疾患・がん研究や、細胞生物学、発生生物学、神 経科学等の研究に役立つことが期待されます。

ノボジーンは10xシングルセル解析をお客様のラボに出張して実施できることから、細胞を最高レベルのフレッシュな状態で調整することが可能です。さらに、業界ナンバーワンのリーズナブルプライスでサービスを提供しております。是非ノボジーンに解析をお任せ下さい。

Shi T. et al., "Characterisation of Single Cell full-length transcriptomics in human and mouse samples with short and long read sequencing" Novogene single cell poster, 2023

ロングリード パッケージ価格

余っているイル ミナ用cDNAの 二次利用

手持ちのサンプルがあ れば追加データ (論文)が生まれる!

こんなにお得な提案は 他にありません!

## ご視聴ありがとうございました!





ノボジーン公式サイト

## ノボジーン株式会社

jp.novogene.com

in NovogeneAIT

★ NovogeneAMEA

MovogeneJapan

〒103-0025

東京都中央区日本橋茅場町2-7-10茅場町第3長岡ビル7階

