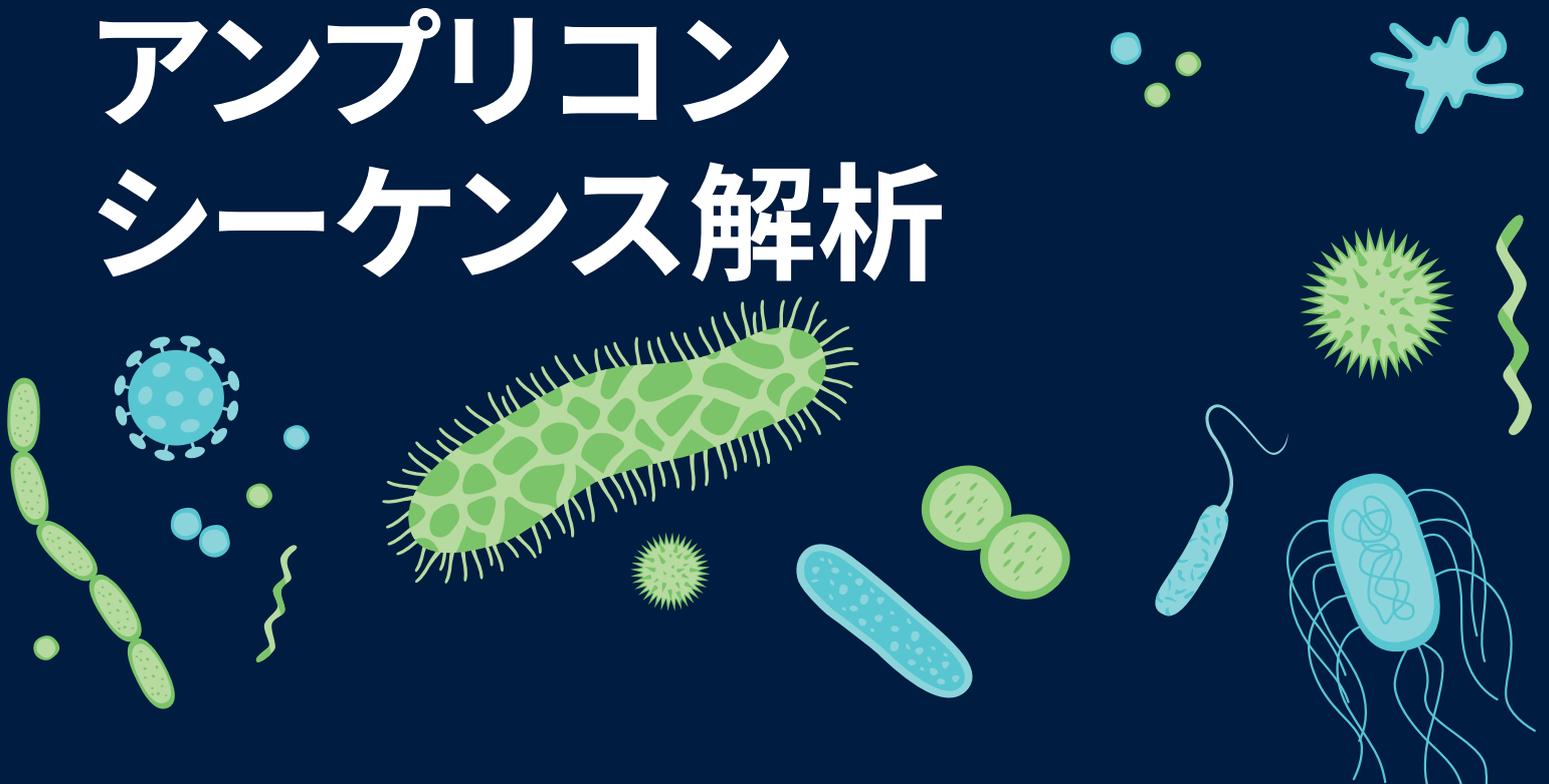


アンプリコン シーケンス解析



16S/18S/ITS アンプリコンメタゲノムシーケンスは、微生物種の同定や判別に頻繁に用いられています。細菌や古細菌の16Sや真菌の18S/ITSなど、保存された遺伝子や遺伝子間領域の短い(500 bp未満)超可変領域をPCRで増幅し、次世代シーケンサー(NGS)技術を用いて解析します。得られた配列は、微生物データベースと照合します。その用途は、純粋培養中の単一種の同定、動物や植物の微生物叢の特徴づけから、さまざまな環境起源や地理的地域からの種の多様性や集団構造の比較まで、多岐にわたっています。

ノボジーンの強み



豊富な経験

数十万を超えるサンプルのシーケンスを行い、約30報の論文発表に寄与しました。



卓越したサービス

高品質のシーケンス(Q30スコア \geq 75%)、効率的な標準ワークフロー、迅速な納期、およびパイオインフォマティクス解析を高いコストパフォーマンスで提供します。



包括的な分析

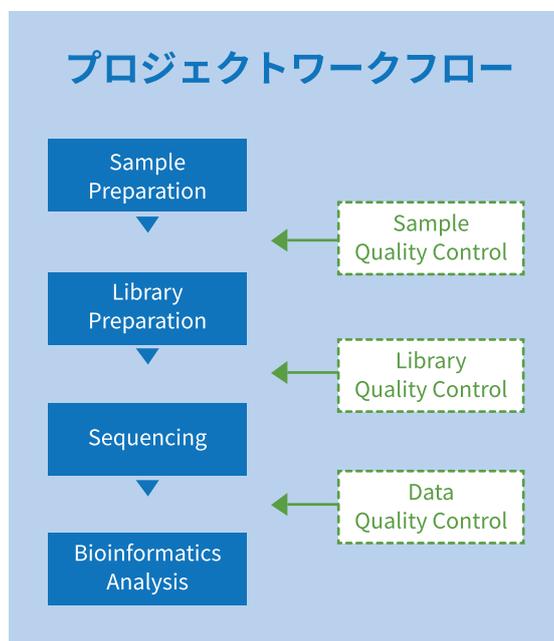
最新の配列データベースやソフトウェアを用いた専門的なバイオインフォマティクス解析を行い、高品質で論文発表に耐えうるデータを作成します。



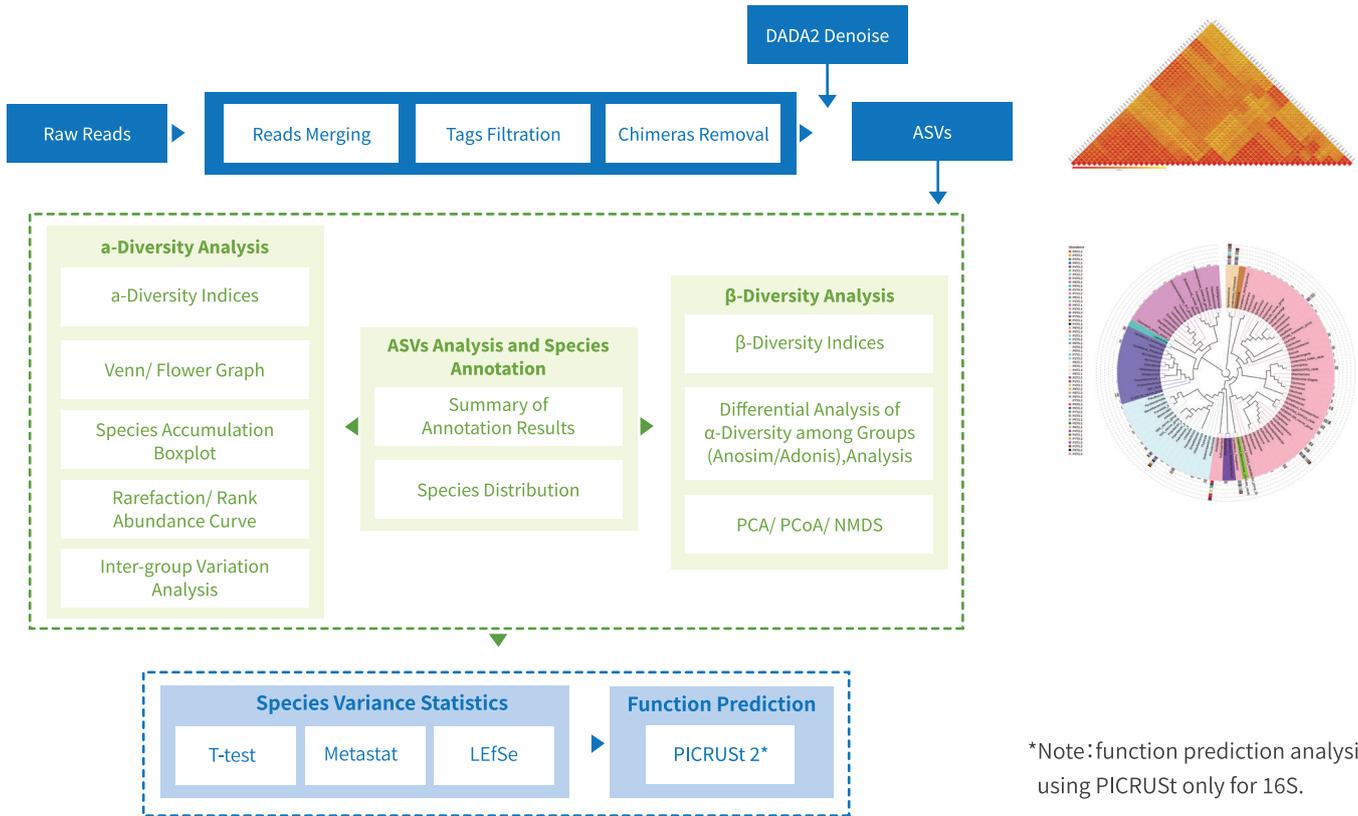
効果的な方法論

我々の手法は、サンプルDNAの高い増幅効率(>95%)が特長です。

プロジェクトワークフロー



標準解析パイプライン



*Note: function prediction analysis using PICRUST only for 16S.

サンプル要件と納期

ライブラリータイプ	サンプルタイプ	サンプル量	液量	濃度	純度 (NanoDrop™/Agrarose Gel)
PCR-free ライブラリー (アンプリコン)	ゲノムDNA	≥ 200 ng	≥ 20 μL	≥ 10 ng/μL	OD260/280=1.8~2.0 分解なし、コンタミなし

納期(≤ 36サンプル): 解析なし - 26営業日、解析あり - 32営業日

論文

ノボジーン社のソリューションでサポートされた論文の一部を以下にご紹介します。土壌、水、糞便、汚泥など、25万以上のサンプルのシーケンスに成功しました。

Journal	IF	Title
Genome Biology	14.028	Influenza infection elicits an expansion of gut population of endogenous Bifidobacterium animalis which protects mice against infection (2020)
Nature Communications	11.878	Soil fungal networks maintain local dominance of ectomycorrhizal trees (2020)
Advanced Science	15.804	Sexual Dimorphism of Gut Microbiota Dictates Therapeutics Efficacy of Radiation Injuries (2019)

弊社サービスは国内の研究用途のみでご利用頂けます。

Novogene Co., Ltd.
ノボジーン株式会社

〒103-0025

東京都中央区日本橋茅場町2-7-10
茅場町第3長岡ビル7階

e: amea-jk-sales@novogene.com

jp.novogene.com

販売代理店